

Demande d'analyse
 PATHOLOGIE MOLECULAIRE

Date de la demande d'analyse :/...../.....

IDENTIFICATION PATIENT (étiquette ou remplir tous les champs)

Nom :

Prénom :

Date de naissance :/...../.....

Sexe : ☐ Féminin ☐ Masculin

Adresse :

NISS :

Code Mutuelle :

MEDECIN PRESCRIPTEUR

Médecin Pathologiste (Cachet + Signature)

Médecin prescripteur (Cachet + Signature)

INFORMATIONS SUR L'ECHANTILLON

N° identification A-P :

.....

Date de prélèvement :/...../.....

Date de fixation :/...../.....

Temps de fixation : ☐ Inconnu ☐ < 6 heures ☐ 6 – 72 heures ☐ > 72 heures

Fixateur : ☐ Formol 4% pH neutre ☐ Autre fixateur

Nombre de blocs de paraffine envoyés :

Nombre de lames blanches envoyées : Date de coupe :/...../.....

Diagnostic A-P :

.....

Heure du prélèvement :

Heure de fixation :

* Hôpital Universitaire de Bruxelles – Centre d'Anatomie Pathologique est accrédité par BELAC sous le numéro de certificat B-727-MED

Abréviations :
NGS : next generation sequencing - IHC : immunohistochimie - PCR : polymerase chain reaction - ISH : in situ hybridization

Panel 22 gènes : AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB4, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MAP2K1, MET, NOTCH1, NRAS, PIK3CA, PTEN, SMAD4, STK11, TP53

Panel 25 gènes : les 22 gènes ci-dessus + HRAS, KIT, PDGFRA

Panel 50 gènes : ABL1, AKT1, ALK, APC, ATM, BRAF, CDH1, CDKN2A, CSF1R, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, EZH2, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KRAS, MET, MLH1, MPL, NOTCH1, NPM1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, PTPN11, RB1, RET, SMAD4, SMARCB1, SMO, SRC, STK11, TP53, VHL

Panel 17 gènes : AKT1, BRAF, CDKN2A, CTNNB1, DICER1, ERBB2, ESR1, FBXW7, FGFR2, FOXL2, KRAS, PIK3CA, PIK3R1, POLE, PTEN, RB1, TP53

Panel 39 gènes : ACVR1, ATRX, BRAF, CDK4, CDK6, CDKN2A, CDKN2B, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, H3F3A (=H3.3), H3F3B,HIST1H3B (=H3C2), HIST1H3C (=H3C3), HRAS, IDH1, IDH2, KRAS, MDM2, MDM4, MYCN, NF1, NF2, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PIK3R1, POLD1, POLE, PPM1D, PRKCA, PTEN, PTPN11, RB1, TERT, TP53, TSC1, TSC2

Panel 27 gènes : AKT1, APC, AXIN1, BRAF, CDH1, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EGFR, EIF1AX, FLT3, GNAS, HRAS, IDH1, KRAS, NRAS, PIK3CA, PPM1D, PRKAR1A, PTEN, RASAL1, RET, SMAD4, TERT, TP53, TSHR, VHL

Panel Fusion ONCOMINE FOCUS RNA (OFA) : détection de 271 transcrits de fusion impliquant 23 gènes : ABL1, AKT3, ALK, AXL, BRAF, EGFR, ERBB2, ERG, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1

Panel Thyroid Fusion : détection de 66 transcrits de fusion impliquant 7 gènes : ALK, BRAF, THADA, NTRK1, NTRK3, PPARG, RET

Panel Fusion sarcome : détection de transcrits de fusion impliquant 61 gènes : ALK, BCOR, BRAF, CAMTA1, CCNB3, CIC, CSF1, EGFR, EPC1, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, ETV6, EWSR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FOS, FOSB, FOXO1, FUS, GLI1, HMGA2, JAZF1, MBTD1, MDM2, MEAF6, MET, MGEA5, MKL2, NCOA1, NCOA2, NCOA3, NR4A3, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PAX3, PDGFB, PDGFRA, PHF1, PLAG1, PRKCA, PRKCB, PRKCD, RAF1, RET, ROS1, SS18, STAT6, TAF15, TCF12, TFE3, TFG, USP6, VGLL2, YAP1, YWHAE

Le listing complet des réarrangements des panels fusion, les gènes du panel ADN 168 gènes et le détail des régions couvertes par les panels ADN se trouvent dans le manuel des échantillons primaires (<https://www.hubruxelles.be>)

ANALYSES

TESTS PAN-TUMEUR

Instabilité microsatellitaire (MSI)

Origine : ☐ Colorectal ☐ Endométrial ☐ Autre :
☐ IHC (MLH1, PMS2, MSH2, MSH6) ☐ PCR (Idylla)* ☐ Méthylation MLH1 (si MSI high)*

HER2

Origine : ☐ Mammaire* ☐ Gastrique* ☐ Autre :
☐ IHC* ☐ ISH* **cocher résultat** HER2 IHC : ☐ 0 ☐ 1+ ☐ 2+ ☐ 3+

Pan-TRK

☐ IHC suivi du Panel Fusion* si résultat positif
☐ Panel Fusion* car résultat IHC positif

☐ PD-L1 IHC Clone 22C3 Score CPS (Combined Proportion Score)*

Origine : ☐ Tête et cou ☐ Gastrique ☐ Urothélial ☐ Autre:

☐ EBV ISH*

☐ Tumeur solide : ☐ Lymphome :

☐ NGS Panel ADN 50 gènes*

Origine : Gène d'intérêt :

☐ NGS Panel ADN 168 gènes* (y compris BRCA1 et BRCA2)

Origine : ☐ Ovaire ☐ Prostate ☐ Pancréas ☐ Autre:

☐ NGS Panel Fusion (ALK, ROS1, RET, NTRK1-3, FGFR1-3, BRAF, MET exon 14 skipping, EGFR VIII...)*

Origine : ☐ Prolifération mélanocytaire atypique ☐ Autre:

CANCERS PULMONAIRES

☐ Testing moléculaire

- NGS Panel ADN (25 gènes dont EGFR, KRAS, BRAF, HER2, et MET exon 14 skipping)*
↓ En absence de mutation driver, suivi de :
- NGS Panel Fusion (dont ALK, ROS1, NTRK1-3, RET)*

☐ Pan-TRK (IHC), suivi du Panel Fusion si positif*

☐ PD-L1 IHC Clone 22C3 Score TPS (Tumor Proportion Score)*

☐ ALK (IHC)*

☐ ROS1 (IHC)*

CANCERS GYNECOLOGIQUES

☐ NGS Panel ADN (17 gènes dont ESR1, PIK3CA, DICER1, POLE, TP53)*

Origine : ☐ endomètre ☐ ovaire ☐ sein

CANCERS COLORECTAUX

☐ NGS Panel ADN (22 gènes dont KRAS, NRAS et BRAF)*

GIST

☐ NGS Panel ADN (25 gènes dont KIT et PDGFRA)*

SARCOMES

☐ NGS Panel Fusion sarcome (61 gènes)

☐ Hybridation In Situ *diagnostic* :

Gène d'intérêt : ☐ MDM2 amplification*
☐ Autre :

TUMEURS CEREBRALES

☐ NGS Panel ADN (39 gènes dont IDH, BRAF, EGFR, TERT et co-deletion 1p19q)*

☐ NGS Fusion Panel (BRAF-KIAA1549)

☐ MGMT méthylation (PCR)*

LESIONS THYROIDIENNES

☐ Testing moléculaire

- NGS Panel ADN (27 gènes dont BRAF et gènes RAS)*
↓ En absence de mutation driver, suivi de :
- NGS Panel Thyroid Fusion (BRAF, RET, PPARG, NTRK1, NTRK3, ALK, THADA)*

MELANOMES

☐ NGS Panel ADN (25 gènes dont BRAF, NRAS, et KIT)*

LYMPHOMES

☐ Réarrangement Ig (H,k) * ☐ réarrangement TCR

☐ Hybridation In Situ *diagnostic* :

Gène(s) d'intérêt : ☐ BCL-2 réarrangement*
☐ BCL-6 réarrangement*
☐ C-MYC réarrangement*
☐ BCL-1 réarrangement
☐ Autre :

AUTRES

PCR Idylla : ☐ BRAF mutations* ☐ KRAS mutations

☐ NRAS/BRAF mutations ☐ EGFR mutations

Hybridation in situ : Diagnostic :

Gène(s) d'intérêt : ☐ CDKN2A (p16) délétion
☐ EGFR amplification
☐ MAML2 réarrangement*
☐ Autre :

☐ Extraction ADN* (Motif :))

☐ TFE3 réarrangement (NGS)