Centre d'Anatomie Pathologique de l'Hôpital Universitaire de Bruxelles
90 rue Meylemeersch– 1070 Anderlecht
Tél : 02 555 33 35
Lundi - Vendredi : 08h00-17h00
Email : SecMed.AnaPath@hubruxelles.be

Demande d'analyse PATHOLOGIE MOLECULAIRE

Date de la demande d'analyse : ...../...../.....

IDENTIFICATION PATIENT (étiquette ou remplir tous les champs)

Nom : ……

Prénom : ……...

Date de naissance : ...../...../.....

Sexe : ☐ Féminin ☐ Masculin

Adresse : ……..

……

NISS : ……

Code Mutuelle : ……

MEDECIN PRESCRIPTEUR

Médecin Pathologiste (Cachet + Signature)	**Médecin prescripteur** (Cachet + Signature)

INFORMATIONS SUR L'ECHANTILLON

N° identification A-P : .....

.....

Date de prélèvement : ...../...../.....

Date de fixation : ...../...../.....

Diagnostic A-P : .....

.....

Heure du prélèvement : .....

Heure de fixation : .....

Temps de fixation : ☐ Inconnu ☐ < 6 heures ☐ 6 – 72 heures ☐ > 72 heures

Fixateur : ☐ Formol 4% pH neutre ☐ Autre fixateur

Nombre de blocs de paraffine envoyés : .....

Nombre de lames blanches envoyées : ..... Date de coupe : ...../...../.....

* Hôpital Universitaire de Bruxelles – Centre d'Anatomie Pathologique est accrédité par BELAC sous le numéro de certificat B-727-MED

Abréviations : NGS : next generation sequencing - IHC : immunohistochimie - PCR : polymerase chain reaction - ISH : *in situ* hybridization

Panel 30 gènes : AKT1, APC, AXIN1, BRAF, CDH1, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EGFR, EIF1AX, EZH1, FLT3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KRAS, MAP2K1, NRAS, PIK3CA, PLEKHS1, PPM1D, PRKAR1A, PTEN, RASAL1, RET, SMAD4, TERT, TP53, TSHR

Panel 45 gènes : AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, BRAF, CDK4, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, MTOR, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RAF, RET, ROS1, SMO et TP53.

Panel 39 gènes : ACVR1, ATRX, BRAF, CDK4, CDK6, CDKN2A, CDKN2B, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, H3F3A (=H3.3), H3F3B,HIST1H3B (=H3C2), HIST1H3C (=H3C3), HRAS, IDH1, IDH2, KRAS, MDM2, MDM4, MYCN, NF1, NF2, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PIK3R1, POLD1, POLE, PPM1D, PRKCA, PTEN, PTPN11, RB1, TERT, TP53, TSC1, TSC2

Panel Fusion OPA : détection de transcrits de fusion impliquant 18 gènes : ALK, AR, BRAF, EGFR, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, RET, ROS1, RSPO2 et RSPO3.

Panel Thyroid Fusion : détection de 66 transcrits de fusion impliquant 7 gènes : ALK, BRAF, THADA, NTRK1, NTRK3, PPARG, RET

Panel Archer CTL : détection de transcrits de fusion impliquant 18 gènes :ALK, AXL, BRAF, CCND1, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PPARG, RAF1, RET, ROS1, THADA

Panel Fusion sarcome (Archer) : détection de transcrits de fusion impliquant 61 gènes : ALK, BCOR, BRAF, CAMTA1, CCNB3, CIC, CSF1, EGFR, EPC1, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, ETV6, EWSR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FOS, FOSB, FOXO1, FUS, GLI1, HMGA2, JAZF1, MBTD1, MDM2, MEAF6, MET, MGEA5, MKL2, NCOA1, NCOA2, NCOA3, NR4A3, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PAX3, PDGFB, PDGFRA, PHF1, PLAG1, PRKCA, PRKCB, PRKCD, RAF1, RET, ROS1, SS18, STAT6, TAF15, TCF12, TFE3, TFG, USP6, VGLL2, YAP1, YWHAE.

Le listing complet des réarrangements des panels fusion, les gènes du panel ADN 168 gènes et le détail des régions couvertes par les panels ADN se trouvent dans le manuel des échantillons primaires (https://www.hubruxelles.be)

ANALYSES

TESTS PAN-TUMEUR

Instabilité microsatellitaire (MSI)

Origine : ☐ Colorectal ☐ Endométrial ☐ Autre : .....

☐ IHC (MLH1, PMS2, MSH2, MSH6) ☐ PCR (Idylla)* ☐ Méthylation MLH1*

HER2

Origine : ☐ Mammaire* ☐ Gastrique* ☐ Autre : .....

☐ IHC* ☐ ISH* **cocher résultat** HER2 IHC : ☐ 0 ☐ 1+ ☐ 2+ ☐ 3+

Pan-TRK

☐ IHC* suivi du Panel Fusion* si résultat positif
☐ Panel Fusion (Archer CTL)* car résultat IHC positif

☐ PD-L1 IHC Clone 22C3 Score CPS (Combined Proportion Score)*

Origine : ☐ Tête et cou ☐ Gastrique ☐ Urothélial ☐ Sein ☐ Autre: .....

☐ EBV ISH*

☐ Tumeur solide : ..... ☐ Lymphome : .....

☐ NGS Large Panel ADN - 168 gènes* (y compris BRCA1 et BRCA2)

Origine : ☐ Prostate ☐ Pancréas ☐ Autre: .....

CANCERS PULMONAIRES

☐ **Testing moléculaire**

- NGS Panel ADN (45 gènes) + NGS fusion 18 Gènes (OPA)

☐ **Pan-TRK IHC*,** suivi du Panel Fusion* si positif

☐ **PD-L1 IHC Clone 22C3 Score TPS** (Tumor Proportion Score)*

☐ ALK (IHC)* ☐ ROS1 (IHC)*

CANCERS GYNECOLOGIQUES

☐ NGS Large Panel ADN (168 gènes dont ESR1, PIK3CA, POLE, TP53)*

Origine : ☐ endomètre ☐ sein ☐ autre : .....

CANCERS COLORECTAUX

☐ NGS Panel ADN (45 gènes dont KRAS, NRAS et BRAF)

CHOLANGIOCARCINOMES

☐ **Testing moléculaire**

- NGS Panel ADN (45 gènes)

↓ En absence de mutation driver, suivi de :

- NGS panel fusion (archer CTL)*

GIST

☐ NGS Panel ADN (45 gènes dont KIT et PDGFRA)

CARCINOMES UROTHELIAUX

☐ NGS Panel ADN (45 gènes) + NGS fusion 18 Gènes (OPA)

CARCINOMES RENAUX

☐ TFE3 réarrangement (panel fusion sarcome)

SARCOMES

☐ NGS Panel Fusion sarcome (61 gènes)

☐ Hybridation In Situ : MDM2 amplification*

MELANOMES

☐ NGS Panel ADN (45 gènes dont BRAF, NRAS, et KIT)

PROLIFERATION MELANOCYTAIRE ATYPIQUE

☐ NGS Panel ADN (168 gènes)* + NGS panel fusion (Archer CTL)*

TUMEURS CEREBRALES

☐ NGS Panel ADN (39 gènes et co-deletion 1p19q)*

☐ NGS Panel Fusion : BRAF-KIAA1549 (OPA)

☐NGS Panel Fusion (61 gènes)

☐ MGMT méthylation (PCR)*

LESIONS THYROIDIENNES

☐ **Testing moléculaire**

- NGS Panel ADN (30 gènes dont BRAF et gènes RAS)*

↓ En absence de mutation driver, suivi de :

- NGS Panel Thyroid Fusion (détection de 66 transcrits de fusion impliquant 7 gènes)*

LYMPHOMES

☐ Réarrangement Ig (H,K)* ☐ réarrangement TCR

☐ Hybridation In Situ *diagnostic :.....*

gène(s) d'intérêt : ☐ BCL-2 réarrangement*

☐ BCL-6 réarrangement*

☐ CMYC réarrangement*

☐ Autre : .....

AUTRES

PCR Idylla : ☐ BRAF mutations* ☐ KRAS mutations

☐ NRAS/BRAF mutations ☐ EGFR mutations

Hybridation in situ : Diagnostic : .....

Gène d'intérêt : ☐ CDKN2A (p16) délétion

☐ MAML2 réarrangement*

☐ MYB réarrangement

☐ Autre : .....

☐ **Extraction ADN*** (Motif : .....)

☐ **Mutation HNF1A**